

PacBio

「正確で実用的な PacBio HiFi リードで 動植物研究を推進」

■ 日時：2022年9月12日(月) 14:00~15:00

■ 開催方法：オンライン

■ 演者：PacBio ジャパン 合同会社

サイエンティフィック アフェアーズ 小林 孝史 博士



【要旨】

PacBio Sequel II/IIe システムは、一分子リアルタイム (SMRT) シークエンシングテクノロジーにより、極めて高精度なロングリード (HiFi リード) を実現します。HiFi リードは GC 含量に基づくバイアスがなく最大 25kb の長いリード長で 99.9% 以上の高い読み取り精度という特徴を持ちます。

HiFi リードはその特徴から倍数体 (polyploid) などの複雑なゲノム構造の解明に非常に大きな役割を果たしてきました。また、近年は HiFi リードを利用した完全長の cDNA 解析 (Iso-Seq) により新規のスプライシングバリエーションの同定や、ロングリードを使用したショットガンメタゲノムにより効率的にメタゲノムアセンブリーゲノム (MAG) の取得が可能になっております。またヒトゲノム研究にもリファレンスレベルのヒトゲノムデータを作製する上で HiFi リードが用いられてきています。

本セミナーでは、SMRT シークエンシングの原理と利点や HiFi シークエンシングの正確性や最新のアプリケーションについてご紹介させていただきます。特に動植物研究や、メタゲノム研究に沿った基礎研究的な内容になる予定です。

■ 参加申し込み・お問合せ先

下記 URL あるいは QR コードからお申し込みください。
他大学・企業からの参加も歓迎いたします。

<https://forms.gle/LfJuW68fg1CQX7uQ8>

静岡大学 グリーン科学技術研究所
研究支援室 ゲノム機能解析部 (担当：兼崎)
(TEL) 054-238-4385
(E-mail) kanasaki.yuh@shizuoka.ac.jp



HiFi
READS

