

グリーン科学技術研究所 研究支援室 ゲノム機能解析部  
次世代シーケンサー学外利用料金

解析内容	サンプル数 (例)	取得可能な データ量 (Gb)	想定する 取得データ量 (Gb)	想定する 取得データ量 (万リード)	想定する 取得データ量 (万リード)/サンプル	利用料金/サンプル (円)
ゲノムDNA	1	15	1.5	250	250	90,000～
RNA	6	3.75	3.75	2,500	417	70,000～
メタゲノム(アンプリコン)	8	15	2.4	400	50	25,000～

- ・利用料金の中に含まれるシーケンス料金分は「想定する取得データ量」に応じて計算し、最終的な受託解析価格を確定し請求させていただきます。
- ・メタゲノムは6サンプル以上で解析を実施し、5サンプル以下の場合は要相談とします。また1サンプルあたり50万リード(0.3 Gb)取得すると想定します。
- ・上記の「想定する取得データ量」は実際に得られるデータ量を保証するものではありません。想定値に達しない場合でも再解析をご依頼される場合は有料となります。
- ・解析料金は前納の場合のみ委託を受け入れます。
- ・機器に長期間の故障が生じた場合は、納期の大幅な延期、あるいは受託解析を中止させていただきますのでご了承ください。  
中止の場合は核酸の品質チェック等に要した手数料分を差し引いた形で返金させていただきます。
- ・詳細は、「次世代シーケンサー(MiSeq)ご利用の注意事項について」をご確認ください。